

**Table S3:** Sequence divergence of *Plasmodium* lineages.

Cytochrome *b* sequence (0 – 1063 bp)

group		Mean between-group distance											No. of lineages	Mean within-group distance	
		(1)	(2)	(3)	(4)	(5)	(6)	(7)	(8)	(9)	(10)	(11)			(12)
(1)	MDG_P05													1	-
(2)	MDG_P06/15	0,057												2	0,00094
(3)	MDG_P18/28	0,072	0,057											2	0,0228
(4)	MDG_P24	0,065	0,051	0,048										1	-
(5)	MDG_P08	0,071	0,056	0,053	0,048									1	-
(6)	MDG_P29	0,098	0,078	0,084	0,085	0,079								1	-
(7)	MDG_P10	0,095	0,079	0,083	0,084	0,085	0,070							1	-
(8)	MDG_P26	0,115	0,096	0,095	0,094	0,091	0,094	0,087						1	-
(9)	MDG_P17/23	0,096	0,080	0,090	0,086	0,083	0,075	0,072	0,079					2	0,00094
(10)	MDG_P01/02/04/11/16/19/20/22	0,085	0,066	0,067	0,074	0,066	0,056	0,051	0,082	0,053				8	0,00725
(11)	MDG_P03/12/25	0,083	0,068	0,032	0,068	0,072	0,065	0,054	0,082	0,058	0,032			3	0,0165
(12)	MDG_P09/13/14/21	0,093	0,077	0,075	0,080	0,079	0,062	0,056	0,087	0,061	0,044	0,047		4	0,0106
(13)	MDG_P07/27	0,100	0,076	0,082	0,087	0,083	0,071	0,073	0,084	0,076	0,058	0,061	0,048	2	0,0085

**Table S4:** Sequence divergence of *Haemoproteus* lineages.

Cytochrome *b* sequence (0 – 1063 bp)

group		Mean between-group distance										No. of lineages	Mean within-group distance
		(1)	(2)	(3)	(4)	(5)	(6)	(7)	(8)	(9)	(10)		
(1)	MDG_H02/04/38											3	0,0044
(2)	MDG_H11/17	0,039										2	0,00377
(3)	MDG_H07/14/29/31	0,055	0,041									4	0,0209
(4)	MDG_H10/22/23/26/33/36/40	0,052	0,051	0,056								7	0,0166
(5)	MDG_H03/05/13/16/19/24/30/41	0,058	0,060	0,066	0,048							8	0,02489
(6)	MDG_H21	0,065	0,055	0,062	0,051	0,047						1	-
(7)	MDG_H18/25	0,069	0,067	0,071	0,057	0,056	0,055					2	0,028867
(8)	MDG_H34	0,062	0,053	0,060	0,044	0,048	0,046	0,047				1	-
(9)	MDG_H01/20/27	0,059	0,056	0,062	0,043	0,045	0,049	0,054	0,041			3	0,001255
(10)	MDG_H06/08/09/12/15/28/32/35/37/42	0,063	0,058	0,063	0,050	0,050	0,059	0,059	0,051	0,046		10	0,0245
(11)	MDG_H39	0,133	0,128	0,123	0,115	0,125	0,127	0,129	0,123	0,123	0,115	1	-

**Table S6:** Sequence divergence of *Leucocytozoon* lineages.

Cytochrome *b* sequence (0 – 1063 bp)

group		Mean between-group distance				No. of lineages	Mean within-group distance
		(1)	(2)	(3)	(4)		
(1)	MDG_L03/16/17					3	0,0063
(2)	MDG_L01/06/08/11/12	0,044				5	0,0236
(3)	MDG_L04	0,054	0,048			1	-
(4)	MDG_L02/05/07/09/10/13/15	0,076	0,080	0,038		7	0,0136
(5)	MDG_L14	0,274	0,274	0,262	0,263	1	-